
DMP du projet "EBAll N2"

Plan de gestion de données créé à l'aide de DMP OPIDoR, basé sur le modèle "Science Europe - DMP template (english)" fourni par Science Europe.

Plan Details

Plan title	DMP du projet "EBAll N2"
Language	fra
Creation date	2021-04-22
Last modification date	2021-05-26
Identifiant	EBAll_N2_2021_FAIR

Project Details

Project title	EBAll N2
Abstract	<i>Ce projet est un support de cours pour la formation EBAll N2 2021 : (page web)</i>

Contexte

L'objectif de l'étude est d'étudier la réponse à une privation en fer chez l'algue verte *Ostreococcus tauri* [Lelandais et al, 2016](#). Il s'agit d'un organisme de 13.0328 Mb séparé en 20 chromosomes.

L'expérience est composée de 16 échantillons de données RNAseq (triplicat, single-end de 100bp). Le plan d'expérience est illustré [ici](#). Pour accompagner cette démonstration, nous avons choisi les échantillons S11 et S12 (réponse adaptative à long terme)

Données utilisées

- Sequence: [GCF_000214015.3_version_140606_genomic.fna](#)
- Annotation: [GCF_000214015.3_version_140606_genomic.gff](#)
- Données RNAseq : des [données réduites](#) au chromosome 18 (pour la démo). Le projet avec les données non réduites est disponible sur [SRA](#).

Analyse de données

Le but de l'analyse de données est de mettre en évidence une liste de gènes différentiellement exprimés lorsque que le milieu de culture à une concentration en fer plus faible que dans un milieu standard. Les différentes étapes sont présentées dans la figure disponible [ici](#).

Funding

- IFB :

Produits de recherche :

1. reduced RNAseq from BioSample: SAMEA3138397; SRA: ERS610332 (Jeu de données)

Contributeurs

Nom	Affiliation	Rôles
Thomas Denecker		<ul style="list-style-type: none">• Coordinateur du projet• Personne contact pour les données• Responsable du plan

Droits d'auteur :

Le(s) créateur(s) de ce plan accepte(nt) que tout ou partie de texte de ce plan soit réutilisé et personnalisé si nécessaire pour un autre plan. Vous n'avez pas besoin de citer le(s) créateur(s) en tant que source. L'utilisation de toute partie de texte de ce plan n'implique pas que le(s) créateur(s) soutien(nen)t ou aient une quelconque relation avec votre projet ou votre soumission.

DMP du projet "EBAIL N2"

1. Data description and collection or re-use of existing data

Réutilisation de données déjà produites.

Mise en place d'un workflow d'analyse automatisé et reproductible

Données utilisées

- Sequence: [GCF_000214015.3_version_140606_genomic.fna](#)
 - Annotation: [GCF_000214015.3_version_140606_genomic.gff](#)
 - Données RNAseq : des [données réduites](#) au chromosome 18 (pour la démo). Le projet avec les données non réduites est disponible sur [SRA](#).
-

2. Documentation and data quality

Les données sont déjà publiées (les métadonnées y sont disponible) : https://www.ncbi.nlm.nih.gov/assembly/GCF_000214015.3/

Un fichier notebook Jupyter est aussi disponible pour reproduire l'analyse : https://github.com/IFB-ElixirFr/FAIR_EBAIL_n2

Pour le lancer, nous vous conseillons d'utiliser les ressources de l'IFB et plus précisément : <https://jupyterhub.cluster.france-bioinformatique.fr/hub/login?next=%2Fhub%2F>

Toutes ces informations sont disponible dans l'article.

3. Storage and backup during the research process

En suivant la stratégie 3 2 1

Les données ne sont pas sensibles

4. Legal and ethical requirements, codes of conduct

Non concerné

Les données sont partagés en open Access sur GEO

Non concerné

5. Data sharing and long-term preservation

Les données ont été publiées sur GEO sans restriction

Les données ont été publiées sur GEO sans restriction

Un navigateur web pour télécharger les données.

Les données brutes ont un identifiants GEO

Les données réduites ont un DOI Zenodo

6. Data management responsibilities and resources

Les données ont été gérées par les auteurs de la publication

Question sans réponse.